

## **Persbericht 5 juli 2011: "Eerste kijk op genomics realiteit"**

De discussie omtrent de praktische toepassing van genomische fokwaarden vindt al plaats van ver voor de introductie van deze nieuwe techniek. Volgens de bedenkers zit de toegevoegde waarde met name in verhoogde betrouwbaarheden van proefstieren en snellere genetische vooruitgang. Critici geven aan dat het systeem nog onvoldoende bewezen is voor grootschalige commerciële toepassing.

Na drie draaien met genomische fokwaarden werd het eens tijd om een voorzichtige eerste analyse op te stellen en een voorschot te nemen op de vraag of de commerciële veehouder gebaat is bij genomics?

In het onderzoek is gekeken naar ALLE stieren die net dochters in de fokwaardenberekening hebben gekregen en daarvoor met een genomics fokwaarden zijn gepubliceerd. In totaal bleken dit er 13 bij zwartbont en maar liefst 31 bij roodbont te zijn. Er is gekeken naar de ranglijsten op basis van genomische fokwaarden en vervolgens of deze in stand blijven als er informatie van dochters wordt opgenomen. Het blijkt dat al bij een eerste draai met dochters er niet veel meer overblijft van de NVI rangschikking op basis van genomics. Een genomics topstier kan voor hetzelfde geld een middelmatige stier worden en andersom.

Als je kijkt naar de aangegeven betrouwbaarheden is dat ook niet zo vreemd. In het bewezen proef- wacht- fokstier systeem was het bekend dat na een eerste draai met dochters (met een NVI betrouwbaarheid van net 70%) er nog aanzienlijke verschuivingen plaats vonden. De NVI betrouwbaarheid via genomics van deze groep stieren is gemiddeld met 64% een stuk lager. Bijster veel kan je daar dus niet mee.

In de eerste draai met dochters zit nog steeds een aandeel genomics en naarmate er meer dochters bijkomen zal dat aandeel verder verminderen waardoor er nog meer spreiding ten opzichte van de voorspelde ranglijst verwacht mag worden. Op het eerste oog lijken de genomics voorspellingen voor kg melk, % eiwit en celgetal zich beter te houden. We kunnen op dit moment alleen maar analyseren met de laatste genomics draai voordat officieel dochters in de fokwaarde worden opgenomen. Er worden dan al wel dochters gemolken en ons is niet bekend hoe dit in de genomics fokwaarden doorwerkt.

De vergelijking voor exterieurkenmerken laten zien dat de genomische fokwaarden een stuk minder overeenkomen. Voor levensduur en vruchtbaarheid zullen we nog een tijd moeten wachten op een hogere betrouwbaarheid. Toch springen deze twee fokwaarden nu al op en neer met de komst van dochters wat direct een ongefundeerd effect heeft op de NVI. De impact van deze twee kenmerken op de NVI blijft daarmee lang een bron van onbetrouwbaarheid in de totaal index.

Conclusie: Waak er voor om veel waarde te hechten aan betrouwbaarheden van 70% of lager ongeacht of dit op genomics of dochterinformatie gebaseerd is.

Verdere achtergronden kunnen gelezen worden in de totaalanalyse over betrouwbaarheid en genomische fokwaarden.

**Bij vragen kunt u zich wenden tot Dhr. Jos Hooijer (voorzitter NVO) op 06-11380946 of Dhr. Joop Olieman (secretaris NVO) op 06-51015148**